

Отзыв

на автореферат диссертации Валитова Фарита Равиловича на тему: «Эффективность использования современных методов маркерной селекции в молочном скотоводстве», представленной на соискание ученой степени доктора сельскохозяйственных наук по специальности 06.02.07 – Разведение, селекция и генетика сельскохозяйственных животных

Для повышения молочной продуктивности и улучшения технологических свойств молока коров немаловажное значение имеет разработка современных эффективных методов селекции, в том числе и маркерной, которая может выступать в качестве действенного дополнения к традиционной, благодаря возможности проводить оценку генетического потенциала животного в раннем возрасте и независимо от пола.

Наиболее удобными молекулярно-генетическими маркерами, прямо или косвенно влияющими на формирование молочной продуктивности крупного рогатого скота, являются ДНК-маркерные системы. К одной из групп генов-кандидатов относятся гены белков, входящих в состав молока, как каппа-казеина, бета-казеина, альфа-лактальбумина, бета лактоглобулина, к другой – гены гормонов, продукты которых вовлечены в регуляторные или обменные процессы – соматотропина, пролактина и тиреоглобулина. На основании вышеизложенного использование современных методов маркерной селекции для совершенствования крупного рогатого скота, как дополнение к традиционной селекции, является **актуальным**.

Научная новизна заключается в том, что впервые проведена оценка генофонда и описаны иммуногенетические особенности по антигенным эритроцитарным факторам черно-пестрой, бестужевской, симментальской и голштинской пород крупного рогатого скота, разводимых в Республике Башкортостан. Выявлено генетическое сходство между ними и ассоциации некоторых антигенных факторов крови с молочной продуктивностью и спермопродуктивностью быков-производителей. Методом ПЦР-ПДРФ анализа ядерной ДНК определены частоты встречаемости аллельных вариантов и генотипов по генам гормонов (*GH*, *PRL*, *TG5*) и белков молока (*CSN3*, *CSN2*, *ALA*, *LGB*) и показано влияние как отдельных, так и комплексных генотипов на уровень продуктивности и технологические свойства молока коров изучаемых пород. Протестированы быки-производители разных пород, используемые в Республике Башкортостан на носительство рецессивных мутаций (*BLAD*, *CVM*, *BS*).

Теоретической и практической значимостью работы является то, что полученные данные о полиморфизме и наличии взаимосвязи генотипов гормонов и белков молока с продуктивными качествами животных дают возможность совершенствования молочных и молочно-мясных пород скота с использованием ДНК-маркеров в направлении повышения удоев и качественных показателей молока. Отбор животных по желательным аллелям приводит к улучшению генетического потенциала животных и в итоге к увеличению производства белкомолочной продукции. Результаты исследований частоты встречаемости генотипов и аллелей *CSN3*, а также наличия рецес-

